

Certagen GmbH | Marie-Curie-Str. 1 | D-53359 Rheinbach

ASHZG  
 Zuchtbuchstelle  
 Wolfgang Hanke  
 Poststraße 1  
 24997 Wanderup

**PRÜFBERICHT Hund**

Auftragsnummer: 318650  
 Labornummer: HD201903095  
 Proben-Eingang: 18.01.2019  
 Proben-Analyse: 29.07.2019  
 Befunddatum: 14.08.2019  
 Druckdatum: 14.08.2019  
 Anzahl Seiten: 2

**Test: H321 = CombiBreed Australian Shepherd**

Tiername: Beautiful Ries Mandy  
 Rasse: Australian Shepherd  
 RegNr.: E190176 ChipNr.: 276095610027481  
 Geschlecht: weiblich Geburtsdatum: 18.12.2014

Veranlagung		Ergebnis	Erbgang
H672	Exercise Induced Collapse, EIC (Partnerlabor)	NORMAL	rezessiv
H677	Von Willebrand Erkrankung Typ 1	NORMAL	dominant
H629	Multidrug Resistance 1 (MDR1) (Partnerlabor)	NORMAL	rezessiv
H919	Hüftgelenksinstabilität 1	TRÄGER	multifaktoriell
H871	Canine Multifokale Retinopathie Typ 1 (CMR1)	NORMAL	rezessiv
H811	Hyperurikämie (HUU)	NORMAL	rezessiv
H809	Hereditäre Katarakt 1 (HC1 - HSF4)	NORMAL	dominant
H746	Maligne Hyperthermie	NORMAL	dominant
H705	Collie Eye Anomaly (CEA_CH, Partnerlabor)	NORMAL	rezessiv
H704	prcd PRA (Partnerlabor)	NORMAL	rezessiv
H673	Degenerative Myelopathie, DM (Partnerlabor)	NORMAL	rezessiv
H487	Stummelrute (Brachyurie)	NORMAL	dominant
H421	Hüftgelenksinstabilität 2	TRÄGER	multifaktoriell
H332	IGS (Selektive Cobalamin Malabsorption) 3	NORMAL	rezessiv
H330	Neuronale Ceroid Lipofuszinose (NCL) 6	NORMAL	rezessiv

**Hinweis:** Die Untersuchung wurde durch ein Partnerlabor durchgeführt.

**Erbgänge: Rezessiv und Dominant:**

Folgende Ergebnisse sind möglich:

- NORMAL (das Tier trägt die untersuchte Veranlagung nicht).
- TRÄGER (das Tier trägt die Veranlagung auf einem Gen).
- BETROFFEN (das Tier trägt die Veranlagung auf beiden Genen).

Bei rezessiv vererbten Veranlagungen zeigt ein Träger keine Symptome.

Bei dominant vererbten Veranlagungen zeigt ein Träger die Symptome.

**Multifaktoriell:**

Die Veranlagung hat ihren Ursprung in vielen verschiedenen Genen, die ggf. noch gar nicht bekannt sind. Für jede Untersuchung kann das Tier NORMAL (frei von der Veranlagung), TRÄGER (besitzt die genetische Variante auf einem Gen) oder BETROFFEN (besitzt Variante auf beiden Genen) sein. Das Tier kann selbst als Betroffener völlig frei von Symptomen bleiben. Wichtig ist hier die weitere Vererbung der Variante an die Nachkommen (Frei=0% / Träger=50% / Betroffen=100%).

Rheinbach, 14.08.2019

---

Dr. Jansen, Geschäftsführer  
 Dr. van Haeringen, Geschäftsführer  
 Dr. Weber, Prokurist

**Bitte beachten Sie folgende Hinweise:**

Die Probennahme und der Versand erfolgten durch den Kunden. Alle in dieser Untersuchung verwendeten Angaben zu den Proben stammen vom Auftraggeber und können von Certagen nicht überprüft werden.

Ein per Fax oder E-Mail versandter Prüfbericht hat keine rechtliche Relevanz. Gültig ist alleine der unterschriebene Originalbericht.

Eine Vervielfältigung (auch auszugsweise) bedarf der schriftlichen Genehmigung der Certagen GmbH.